

FICHE D'INFORMATIONS PRATIQUES

GROUPE HOSPITALIER PITIÉ-SALPÉTRIÈRE - CH. FOIX - J.ROSTAND

47-83, boulevard de l'Hôpital - 75651 PARIS Cedex 13

STANDARD : 01 42 16 00 00

UNITÉ FONCTIONNELLE D'ONCOGENETIQUE MOLECULAIRE (PR F.SOUBRIER) - CONTACT : DR F.COULET - TEL
SECRETARIAT: 01 42 17 76 64 / FAX : 01 42 17 76 18

SERVICE DE PATHOLOGIE (PR F.CAPRON) - CONTACT : PR F.CAPRON - TEL SECRETARIAT : 01 42 17 77 73 / FAX: 01 42 17 77 77

Informations pratiques concernant la recherche du statut mutationnel de EGFR et de KRAS dans les cancers du poumon dans le GROUPE HOSPITALIER PITIÉ-SALPÉTRIÈRE

Pour quels patients :

Patients atteints d'un cancer du poumon métastatique.

Dans quels buts :

Définir l'éligibilité à un traitement ciblé anti EGFR par IRESSA à partir de la première ligne de traitement.

Sur quels prélèvements :

Tumeur primitive ou localisation métastatique fixée (préférentiellement formol, le liquide de Bouin est formellement exclu) et incluse en paraffine. Les liquides de cytologie inclus en paraffine peuvent faire l'objet d'une demande si la cellularité tumorale est suffisante (20%)

Le prélèvement doit comporter **plus de 20%** de cellules tumorales (par rapport au nombre total de cellules du prélèvement). La cellularité tumorale du prélèvement sera estimée par le pathologiste de la plateforme AP-HP, elle peut néanmoins être précisée sur la demande si connue du prescripteur.

Où adresser sa demande :

Votre demande sera traitée dans le Groupe Hospitalier Pitié Salpêtrière.

→ Le prélèvement sera initialement réceptionné,

- Soit par le service d'Anatomopathologie (en cas d'envoi de bloc)

Référent : PR F.CAPRON

Laboratoire : Anatomico-Pathologie
Groupe hospitalier Pitié-Salpêtrière
Bât. La Peyronie 10
47/83 bd de l'hôpital
75651 PARIS Cedex 13

L'anatomico pathologiste de la plateforme prépare les coupes et valide le pourcentage de cellules tumorales au sein de l'échantillon et retourne les copeaux et le bloc

- Soit directement par l'Unité Fonctionnelle d'oncogénétique (en cas d'envoi de coupes) :

Référent : DR F..COULET

Laboratoire : Unité fonctionnelle d'Oncogénétique moléculaire
Groupe hospitalier Pitié-Salpêtrière
Bât. La Peyronie 10

47/83 bd de l'hôpital
75651 PARIS Cedex 13

La plateforme de biologie moléculaire qui assure l'extraction de l'ADN, l'analyse moléculaire et son interprétation. Les résultats seront transmis au prescripteur et à l'anatomo-pathologiste, ils peuvent être obtenus en contactant la plateforme:

Dr F.COULET florence.coulet@psl.aphp.fr

Que faut-il envoyer :

- au laboratoire de biochimie, UF de pharmacogénétique et Oncologie moléculaire
 - le bloc tumoral le plus riche en cellules tumorales (par rapport aux cellules totales de l'échantillon)
 - le compte rendu d'anatomo pathologie correspondant au prélèvement
 - le Bon de demande d'examen (téléchargeable sur le site) dûment rempli, comportant notamment les **coordonnées complètes des correspondants** pour leur assurer une bonne transmission des résultats.
 - la fiche de dédommagement pour désarchivage, le cas échéant.

Quel est le délai de rendu de l'analyse ?

A partir de la réception du prélèvement, un délai de **15 jours** est à prévoir. Le résultat est adressé aux correspondants qui seront mentionnés dans le Bon de demande d'examen.

En cas de situation d'urgence, la mention **URGENT** sur le Bon de demande d'examen permet de réduire le délai de rendu au maximum. Le bloc tumoral vous sera réadressé en même temps que le résultat.

Quelles techniques utilisons nous ?

- au service d'anatomie pathologique :
 - le bloc tumoral sera coupé et analysé en HES pour sélection de la zone la plus richement tumorale (la richesse tumorale pourra être augmentée par macrodissection).
 - 5 coupes de 10 μ seront réalisées et transmises au laboratoire d'oncologie moléculaire
- au service d'oncologie moléculaire:
 - l'extraction de l'ADN à partir des coupes tissulaires est réalisée.
 - l'analyse des mutations :

KRAS : Fusion haute Résolution et séquençage de l'exon 2

Cette technique est sensible (elle permet de détecter jusqu'à 5% de cellules mutées)

EGFR: Fusion haute Résolution et séquençage des exons 18, 19, 20 et 21

Cette technique est sensible (elle permet de détecter jusqu'à 5% de cellules mutées)